

# Erbliche Tumorerkrankungen

## Ärztliche Fachinformation Panel-Analyse bei erblichen Tumorerkrankungen

<p><b>Basalzell-Nävus-Syndrom/Gorlin-Goltz-Syndrom</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Nevoid Basal Cell Carcinoma Syndrome</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 2 Gene: <i>PTCH1</i>, <i>SUFU</i></p> <p><u>Material:</u> Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Brook-Spiegler-Syndrom</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">Genereviews: CYLD Cutaneous Syndrome</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> Gene: <i>CYLD</i></p> <p><u>Material:</u> Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Erblicher Brust-und Eierstock-Krebs-Syndrom (HBOC)</b> <b>Erbliche Disposition für Brust- und Eierstockkrebs</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">BRCA1- and BRCA2-Associated Hereditary Breast and Ovarian Cancer - GeneReviews® - NCBI Bookshelf (nih.gov)</a> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Erbliches Brust und Eierstockkrebs-Syndrom (HBOC):</u> 3 Gene: <i>BRCA1</i>, <i>BRCA2</i>, <i>PALB2</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – erbliche Disposition für Brust- und Eierstockkrebs:</u> 8 Gene: <i>TP53</i>, <i>STK11</i>, <i>PTEN</i>, <i>CHEK2</i>, <i>ATM</i>, <i>BARD1</i>, <i>RAD51C</i>, <i>RAD51D</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – erbliche Disposition für Eierstockkrebs:</u> 5 Gene: <i>BRIP1</i>, <i>MLH1</i>, <i>MSH2</i>, <i>MSH6</i>, <i>EPCAM</i> (<i>EPCAM</i> nur Kopienzahlanalyse)</p>

	<p><b>Material:</b> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><b>Bearbeitungszeit</b> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Erbliches Pankreaskarzinom</b>	<p><b>Erbgang</b> Autosomal dominant</p> <p><b>Information</b> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><b>Untersuchte Gene:</b> 4 Gene: <i>BRCA1, BRCA2, PALB2, CDKN2A</i></p> <p><b>Material:</b> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><b>Bearbeitungszeit</b> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Erbliches Phäochromozytom /Paragangliom</b>	<p><b>Erbgang</b> Autosomal dominant</p> <p><b>Information</b> <a href="#">Hereditary Paraganglioma-Pheochromocytoma Syndromes PanelApp</a></p> <p><b>Untersuchte Gene:</b> 9 Gene: <i>SDHB, SDHD, SDHC, SDHAF2, VHL, MAX, TMEM127, FH, RET</i></p> <p><b>Material:</b> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><b>Bearbeitungszeit</b> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Erbliches Prostatakarzinom</b>	<p><b>Erbgang</b> Autosomal dominant</p> <p><b>Information</b> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><b>Untersuchte Gene:</b> 9 Gene: <i>BRCA1, BRCA2, CHEK2, HOXB13 (p.G84E;rs18213197), MLH1, MSH2 (incl. EPCAM-Del), MSH6, PMS2</i></p> <p><b>Material:</b> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><b>Bearbeitungszeit</b> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Familiäres atypisches multiples Muttermal- und</b>	<p><b>Erbgang</b> Autosomal dominant</p>

<p><b>Melanom-Syndrom (FAMMM)</b></p>	<p><u>Information</u> <a href="#">PanelApp</a> <a href="#">Zocchi et al., 2021; PMID: 34442055</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 7 Gene: <i>CDK4, CDKN2A, BAP1, POT1, ACD, TERF2IP, TERT</i>,</p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Familiäres Retinoblastom (RB)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Retinoblastoma</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 1 Gen: <i>RB1</i></p> <p><u>Material:</u> Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Fanconi-Anämie (FA)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal rezessiv</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Fanconi Anemia</a> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> 17 Gene: <i>FANCA, FANCB, FANCC, FANCD1/BRCA2, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCI/BRIP, FANCL, FANCM, FANCN/PALB2, FANCO/RAD51C, FANCP/SLX4, FANCO/ERCC4, FANCS/BRCA1</i></p> <p><u>Material:</u> Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Hereditäre Leiomyomatose und Nierenzellkarzinom (HLRCC)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> 1 Gen: <i>FH</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 2:</u> 4 Gene: <i>VHL, FLCN, BAP1, MET</i></p>

	<p><u>Untersuchte Gene – Stufe 3:</u> 4 Gene: <i>SDHB, SDHD, SHDC, PTEN</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Hereditäres diffuses Magenkarzinom (HDGC)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Hereditary Diffuse Gastric Cancer</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 2 Gene: <i>CDH1, CTNNA1</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Hyperparathyreoidismus-Jaw-Tumor-Syndrom Hyperparathyreoidismus</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: CDC73-Related Disorders</a> Eastell et al., 2014, PMID: 25162666 Marini et al., 2017, PMID: 28740527</p> <p><u>Untersuchte Gene (Hyperparathyreoidismus-Jaw-Tumor-Syndrom):</u> 1 Gen: <i>CDC73 (HRPT2)</i></p> <p><u>Untersuchte Gene (Hyperparathyreoidismus):</u> 9 Gene: <i>MEN1, RET, CDC73 (HRPT2), CDKN1B, CASR, AP2S1, GNA11, PTH</i> und <i>GCM2</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Konstitutive Mismatch-Reparatur Defizienz (CMMRD)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal rezessiv</p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> 5 Gene: <i>MLH1, MSH2 (incl. EPCAM-Del), MSH6, PMS2</i></p> <p><u>Zusatz-Analyse:</u> gMSI Assay</p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 2:</u></p>

	<p>2 Gene: <i>POLE</i>, <i>POLD1</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Li-Fraumeni-Syndrom (LFS)</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Li-Fraumeni Syndrome</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 1 Gen: <i>TP53</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Lynch Syndrome (LS; Hereditäres nicht-polypöses Kolonkarzinom; HNPCC)</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Lynch Syndrome</a> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 5 Gene: <i>MLH1</i>, <i>MSH2</i> (incl. <i>EPCAM-DeI</i>), <i>MSH6</i>, <i>PMS2</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Meningeoma</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Neurofibromatosis 2</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> 6 Gene: <i>BAP1</i>, <i>NF2</i>, <i>SMARCB1</i>, <i>SMARCE1</i>, <i>SUFU</i> und <i>PTEN</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p>

	<p>Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Multiple endokrine Neoplasie Typ 1 (MEN1)</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Multiple Endocrine Neoplasia Type 1</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 1 Gen: <i>MEN1</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Multiple endokrine Neoplasie Typ 2 (MEN2)</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Multiple Endocrine Neoplasia Type 2</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 1 Gen: <i>RET</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<b>Neurofibromatose Typ 1/Legius Syndrom (NF1/LS)</b>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Neurofibromatosis 1</a> <a href="#">GeneReviews: Legius Syndrom</a> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u> 2 Gene: <i>NF1</i>, <i>SPRED1</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>

<p><b>Neurofibromatose Typ 2/Schwannomatose (NF2, Schwannomatose)</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: Neurofibromatosis 2</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u> 3 Gen: <i>NF2, SMARCB1, LZTR1</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 2:</u> 2 Gene: <i>SMARCE1, NF1</i> (wenn differential-pathologisch auch ein Neurofibrom in Frage kommt)</p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut Ggf. wichtig für mRNA-Transkriptanalyse: Ungekühlt verschickte Blutproben sollten spätestens 3 Tage nach Blutabnahme in unserem Labor ankommen!</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Polyposis Syndrome</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant, Ausnahme <i>MUTYH</i>-, <i>NTHL1</i>-assoziierte Polyposen: Autosomal rezessiv</p> <p><u>Information</u> <a href="#">GeneReviews: APC-Associated Polyposis Conditions</a> <a href="#">GeneReviews: MUTYH-Polyposis</a> <a href="#">GeneReviews: Juvenile Polyposis Syndrome</a> <a href="#">GeneReviews: PTEN Hamartoma Tumor Syndrome (incl. Cowden syndrome)</a> <a href="#">GeneReviews: Peutz-Jeghers Syndrome</a> <a href="#">GeneReviews: Lynch Syndrome (Differentialdiagnose)</a> <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – adenomatöse Polyposis Stufe 1 (FAP/MAP):</u> 2 Gene: <i>APC, MUTYH</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – adenomatöse Polyposis Stufe 2 (AFAP):</u> 3 Gene: <i>POLE, POLD1, NTHL1</i></p> <p><u>Untersuchte Gene –Stufe 3 (alle Polyposis-Syndrome):</u> 10 Gene: <i>APC, MUTYH, POLE, POLD1, MSH3, NTHL1, PTEN, STK11, BMPR1A, SMAD4, GREM1</i>-Duplikation</p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 4 (sehr seltene Polyposis-Syndrome):</u> 4 Gene: <i>AXIN2, BUB1, MBD4</i> und <i>MLH3</i>:</p> <p><u>Untersuchte Gene – Cowden-Syndrom/hamartöse Polypen:</u> 1 Gene: <i>PTEN</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – Peutz-Jeghers-Syndrom:</u> 1 Gene: <i>STK11</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – Juvenile Polyposis:</u> 2 Gene: <i>BMPR1A, SMAD4</i></p> <p><u>Untersuchte Gene – Differentialdiagnose Lynch Syndrom:</u> 5 Gene: <i>MLH1, MSH2</i> (incl. <i>EPCAM-Del</i>), <i>MSH6, PMS2</i></p> <p><u>Material:</u> 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache) Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u> Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>RASopathie/Noonan-Syndrom</b></p>	<p><u>Erbgang</u> Autosomal dominant (alle Gene)</p>

	<p>Autosomal dominant oder autosomal rezessiv (<i>LZTR1</i>)</p> <p><u>Information</u>  <a href="#">PanelApp</a>  <a href="#">Grant et al., 2018; PMID: 30311384</a>  <a href="#">Motta et al., 2021; PMID: 34626534</a></p> <p><u>Untersuchte Gene – Stufe 1:</u>  23 Gene: <i>BRAF, CBL, HRAS, KRAS, LZTR1, MAP2K1, MAP2K2, MAPK1, MRAS, NF1, NRAS, PPP1CB, PTPN11, RAF1, RASA2, RIT1, RRAS, RRAS2, SHOC2, SOS1, SOS2, SPRED1, SPRED2</i></p> <p><u>Material:</u>  2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)  Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u>  Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Tuberöse Sklerose (TSC)</b></p>	<p><u>Erbgang</u>  Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u>  <a href="#">GeneReviews: Tuberous Sclerosis Complex</a>  <a href="#">PanelApp</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u>  2 Gene: <i>TSC1, TSC2</i></p> <p><u>Material:</u>  Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)  Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u>  Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Von Hippel Lindau Syndrom (VHL)</b></p>	<p><u>Erbgang</u>  Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u>  <a href="#">Genereviews: Von Hippel-Lindau Syndrome</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u>  1 Gen: <i>VHL</i></p> <p><u>Material:</u>  Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)  Kleinkind (&lt;2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut</p> <p><u>Bearbeitungszeit</u>  Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).</p>
<p><b>Wilms Tumor</b></p>	<p><u>Erbgang</u>  Autosomal dominant</p> <p><u>Information</u>  <a href="#">Genereviews: Wilms Tumor Predisposition</a></p> <p><u>Untersuchte Gene:</u></p>



1 Gen: WT1

**Material:**

Alle außer Kleinkind: 2x 4 ml EDTA-Blut (o.a. Gewebe nach Rücksprache)

Kleinkind (<2 Jahre): min. 2x 1,5 ml EDTA-Blut

**Bearbeitungszeit**

Durchschnittlich 4-8 Wochen. In Einzelfällen (z.B. bei Therapie-Relevanz) kann um eine kürzere Bearbeitungszeit gebeten werden (auf Anforderungsbogen vermerken).