

Institut für Pathologie, Neuropathologie und Molekularpathologie Müllerstraße 44 6020 Innsbruck ☎ +43 512 9003 71349 📠 +43 512 9003 73301	Einsender:	<b>Probenetikett</b>
--	------------	----------------------

Name: _____ Vorname: _____ SV-Nummer/Geb.-Datum: _____ Adresse: _____  M <input type="checkbox"/> W <input type="checkbox"/>	E-Datum: histologische Probe in Formalin, am _____ um _____  zytologische Probe entnommen, am _____ um _____
stationär/ambulant	

ÖGK	BVAEB	SVS-GW	SVS-LW		GEMEINDE	LEHRER	LAND	PRIVAT
<b>UNTERSUCHUNGSMATERIAL</b> <input type="checkbox"/> Feuchtmaterial für: <input type="checkbox"/> Histologie <input type="checkbox"/> Zytologie <input type="checkbox"/> <b>Express</b> <input type="checkbox"/> <b>Schnellschnitt</b> <input type="checkbox"/> archivierter Tumorblock externe E-Nr.: _____ <input type="checkbox"/> interne E-Nr.: _____ Studie: _____				<b>KLINISCHE DIAGNOSE oder KURZTITEL DES PROJEKTES, LOKALISATION:</b>  Nur für Studie: Ethikvotum Nr.: _____				

**Zusatzleistungen Molekularbiologie (bei Fragen bitte +43 512 9003 71318)**

Gastrointestinale Tumore	Weichteiltumore
<input type="checkbox"/> PAN-RAS-Testung (NRAS und KRAS: Kodon 12, 13, 59, 61, 117, 146) (Pyrosequenzierung)	<input type="checkbox"/> Beta-Catenin Mutation (Exon 3) (Sanger-Sequenzierung)
<input type="checkbox"/> KRAS Mutation (Kodon 12, 13, 61) (Pyrosequenzierung)	<input type="checkbox"/> EWSR1 (Translokation) (FISH, BAP)
<input type="checkbox"/> BRAF Mutation (Kodon 600, 464-469) (Pyrosequenzierung)	<input type="checkbox"/> SYT (Translokation) (FISH, BAP)
<input type="checkbox"/> C-Kit Mutation (Exon 9, 11, 13, 17, 18) (Sanger-Sequenzierung)	<input type="checkbox"/> MDM2/CEN12 (Amplifikation) (FISH)
<input type="checkbox"/> PDGFRA Mutation (Exon 12, 14, 18) (Sanger-Sequenzierung)	<input type="checkbox"/> CDK4/CEN12 (Amplifikation) (FISH)
<input type="checkbox"/> GNAS1 Mutation (Exon 9) (Sanger-Sequenzierung)	<b>Lymphome</b>
<input type="checkbox"/> HNPPC-Prädiagnostik (IHC/MSI-Analyse)	<input type="checkbox"/> C-MYC (Translokation) (FISH, BAP)
<input type="checkbox"/> Beta-Catenin Mutation (Exon 3) (Sanger-Sequenzierung)	<input type="checkbox"/> BCL-2 (Translokation) (FISH, BAP)
<b>Lunge</b>	<input type="checkbox"/> BCL-6 (Translokation) (FISH, BAP)
<input type="checkbox"/> EGFR Mutation (Exon 18-21) (Real-Time PCR)	<input type="checkbox"/> CCND1 (Translokation) (FISH, BAP)
<input type="checkbox"/> Her2/CEN 17 (Amplifikation) (FISH)	<input type="checkbox"/> B-Zell Klonalität (IGH, IGK) (Fragmentlängenanalyse)
<input type="checkbox"/> Her2 Mutation (Exon 19, 20) (Sanger-Sequenzierung)	<input type="checkbox"/> T-Zell Klonalität (TCRB, TCRG) (Fragmentlängenanalyse)
<input type="checkbox"/> ALK (Translokation/Inversion) (FISH, BAP)	<input type="checkbox"/> MYD88 Mutation (Exon 3, 4, 5) (Sanger-Sequenzierung)
<input type="checkbox"/> ROS1 (Translokation) (FISH, BAP)	<input type="checkbox"/> CXCR4 Mutation (Exon 2) (Sanger-Sequenzierung)
<input type="checkbox"/> RET (Translokation) (FISH, BAP)	<input type="checkbox"/> Erreger Diagnostik
<input type="checkbox"/> C-MET/CEN17 (Amplifikation) (FISH)	<input type="checkbox"/> Mycobacterium tuberculosis (nested PCR)
<input type="checkbox"/> EGFR-Resistenz-Mutation (T790M, L858 und Deletion Exon 19) (Real-Time PCR – auch an <u>Liquid Biopsy</u> )	<input type="checkbox"/> Morbus Whipple (Tropheryma whipplei) (PCR)
<input type="checkbox"/> ALK-Resistenz-Mutation (Exon 22, 23, 25) (Sanger-Sequenzierung)	<input type="checkbox"/> HPV – high risk/low risk (in situ Hybridisierung)
<b>Mamma</b>	<input type="checkbox"/> EBV (in situ Hybridisierung)
<input type="checkbox"/> P53 Mutation (Exon 5-8) (Sanger-Sequenzierung)	<b>Neuropathologie</b>
<input type="checkbox"/> Her2/CEN17 (Amplifikation) (FISH)	<input type="checkbox"/> 1p/19q (LOH) (FISH)
<b>Melanom</b>	<input type="checkbox"/> MGMT Promotor-Methylierung (Pyrosequenzierung)
<input type="checkbox"/> BRAF Mutation (Kodon 600- 464-469) (Pyrosequenzierung)	<input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Kodon 600-469) (Pyrosequenzierung)
<input type="checkbox"/> NRAS Mutation (Kodon 12, 13, 61) (Pyrosequenzierung)	<b>Sonstige Leistungen</b>
<input type="checkbox"/> C-Kit Mutation (Exon 9, 11, 13, 17, 18) (Sanger-Sequenzierung)	